

### Non MV Accredited Rams

				1.37	4.64	0.32	1.33	5.35	1.63	0.95	214	-0.85	-0.92	217				
Top 5 %				1.18	3.90	0.26	1.22	4.62	1.36	0.79	201	-0.69	-0.76	202				
Top 10 %				0.86	2.74	0.19	1.01	3.57	0.94	0.55	179	-0.40	-0.49	178				
Top 25%				0.49	1.63	0.11	0.76	2.54	0.46	0.33	158	-0.08	-0.16	155				
Cat No.	Tag No	YO B	Sire Id	8 Wk Wt EBV	Mature Size EBV	Litter Size Reared EBV	Maternal Ability EBV	Scan Wt. EBV	Muscle Depth EBV	Fat Depth EBV	Signet Index	Signet FEC (Combi ned)	Exlana FEC	Exlana Index	Grade	Scra pie GT	Myo max	Cat No.
45	02426	18	01820	0.72	3.53	0.18	1.32	5.46	1.10	1.24	210	0.09	0.03	200	A			45
46	02301	18	01806	0.69	4.37	0.13	0.90	4.00	0.60	0.39	176	-0.61	-0.59	184	B			46
47	02196	18	01806	0.97	6.60	0.13	1.29	5.29	0.58	0.06	193	-1.21	-1.30	223	A			47
48	16159	18	00563	0.51	1.64	-0.03	0.75	2.97	0.42	0.20	138	-0.10	-0.38	139	C			48
49	16031	18	07741	1.23	1.07	-0.01	0.99	3.93	0.71	0.46	159	-0.45	-0.65	168	C	1		49
50	16151	18	07741	0.88	0.70	0.15	0.50	1.79	-0.19	0.06	161	-1.27	-1.24	184	B	1		50
51	02609	18	01974	1.28	5.30	0.23	1.07	5.57	0.80	0.60	213	-0.22	-0.27	212	A			51
52	02194	18	01806	0.34	5.11	0.15	1.05	3.98	0.56	0.49	178	-0.63	-0.58	185	B			52
53	02468	18	00938	0.49	-0.69	0.20	0.45	1.61	0.84	0.44	166	0.01	-0.04	159	C			53
54	15830	18	07741	0.64	1.97	0.09	0.58	2.45	0.53	0.23	148	-0.22	-0.32	149	C	1		54
55	15766	18	07773	1.21	0.59	0.17	0.50	3.46	1.14	0.46	181	0.57	0.36	163	C			55
56	15757	18	07741	0.34	1.76	0.03	0.97	2.39	0.22	0.28	143	-0.01	-0.16	140	C	1		56
57	02628	18	01874	1.40	6.28	0.06	1.39	6.35	0.62	0.34	199	-0.49	-0.62	208	A	1		57
58	02665	18	00988	0.86	2.48	0.15	0.97	4.86	1.30	1.00	194	0.38	0.27	178	B			58
59	02128	18	01820	0.20	2.53	0.20	1.49	3.64	-0.14	1.33	195	0.09	0.19	181	B	1		59
60	16117	18	07773	1.24	1.11	0.16	0.66	2.45	-0.15	0.04	164	-0.16	-0.28	164	C	1		60
61	15868	18	07773	1.47	3.12	0.12	0.88	3.85	-0.26	0.09	174	-0.17	-0.32	174	B	1		61
62	15705	18	06363	0.71	2.05	0.33	0.44	2.60	1.12	0.29	189	0.20	-0.03	181	B	1		62
63	02425	18	01820	0.62	3.39	0.20	1.22	4.87	0.66	1.22	202	0.15	0.10	190	B			63
64	02558	18	01944	0.93	4.51	0.11	1.15	4.99	1.14	0.36	189	-0.71	-0.81	204	A			64
65	02069	18	00938	0.60	0.64	0.16	0.86	4.29	0.98	1.53	187	-0.05	-0.21	185	B			65
66	02273	18	07145	0.76	6.05	0.08	1.78	6.65	1.14	1.10	207	-0.91	-0.90	226	A	2		66
67	15702	18	01865	0.12	2.78	0.13	0.77	2.77	1.42	0.40	156	0.42	0.35	141	D			67
68	15867	18	00563	0.64	2.15	0.05	0.72	4.14	0.98	0.58	161	-0.12	-0.53	167	C			68
69	16142	18	00937	0.87	2.86	0.19	0.52	3.63	1.36	0.31	175	-0.65	-0.88	190	B			69
70	02039	18	01974	1.84	4.96	0.15	1.06	7.05	1.39	0.77	219	-1.16	-1.39	254	A+			70
71	02602	18	01974	1.76	7.24	0.38	1.18	6.83	0.91	0.49	254	-0.89	-1.02	281	A+	2		71
72	02635	18	02066	1.68	3.06	0.11	1.06	6.56	2.07	0.79	214	-0.38	-0.54	221	A	2		72
73	02722	18	01974	0.65	2.76	0.19	0.96	3.41	0.53	0.48	187	0.21	0.22	173	C			73
74	02178	18	00938	0.50	0.65	0.11	1.32	4.84	1.79	1.37	198	-0.25	-0.45	202	B			74
75	02692	18	07145	1.17	2.44	0.05	1.12	4.94	1.99	0.24	184	-1.03	-1.22	210	B			75
76	02513	18	00988	1.68	5.01	0.14	1.37	7.75	2.38	0.86	234	0.36	0.18	217	B			76
77	02329	18	01918	0.82	1.78	0.10	0.75	3.01	1.04	0.11	164	-0.58	-0.65	173	C			77
78	02191	18	00938	0.47	-0.19	0.14	1.08	3.53	1.64	1.00	186	-0.23	-0.37	188	B			78
79	02412	18	07145	0.46	1.40	0.27	0.84	3.21	0.98	0.80	194	-0.69	-0.82	209	B			79
80	15713	18	07741	0.84	2.19	0.17	0.08	0.97	-0.82	-0.22	124	-0.75	-0.78	133	D	1		80
81	16112	18	07773	1.50	0.85	0.09	0.76	3.61	1.26	-0.09	171	0.00	-0.24	169	C			81
82	15962	18	01006	0.90	-2.63	0.12	0.66	2.64	2.15	0.60	175	-0.46	-0.70	186	B			82
83	02211	18	07145	0.36	1.93	0.15	1.64	4.79	1.41	1.29	208	-0.80	-0.79	224	A	2		83
84	02459	18	01071	1.31	3.50	0.04	0.90	5.25	1.23	0.62	179	0.05	0.00	171	C		M	84
85	02129	18	01751	1.30	3.72	-0.02	1.23	6.07	1.37	0.57	183	-0.14	-0.42	186	B			85
86	02311	18	00831	1.42	2.88	0.06	1.13	5.02	1.53	0.17	184	-0.38	-0.58	191	B			86
87	02737	18	01974	1.41	6.86	0.16	1.28	7.30	0.86	0.97	219	-0.39	-0.48	224	B	2	M	87
88	02902	18	01071	1.52	2.16	0.03	1.53	5.97	1.92	0.69	204	0.18	0.01	195	B	2		88
89	02619	18	01974	0.43	2.09	0.25	0.67	1.71	-0.34	0.14	171	-0.66	-0.71	182	B			89
90	15616	18	01460	0.30	5.49	0.05	1.42	4.01	0.06	0.19	164	-0.83	-1.00	181	B	1		90
91	12844	17	00852	0.82	6.30	0.12	1.21	5.17	1.11	0.05	192	0.40	0.42	171	C	1	M	91
92	02542	18	07145	3.18	3.60	0.07	1.13	9.88	4.16	0.88	252	-0.07	-0.26	250	A+	2		92
93	00964	16	00350	0.86	2.99	-0.02	1.41	4.50	0.52	0.63	171	-0.55	-0.53	177	B	1	M	93
94	00628	15	03995	1.18	0.70	0.03	-0.09	3.40	0.79	0.96	126	0.88	0.65	108	D	1	M	94
95	00618	15	00204	0.01	3.47	0.21	0.95	2.66	-0.93	0.63	173	-0.76	-0.88	188	C	1		95
96	00563	15	04412	-0.14	-0.63	-0.12	0.76	2.62	1.01	0.46	120	-0.12	-0.69	127	D			96
97	01092	17	00350	1.09	1.47	0.00	1.35	3.77	0.30	0.45	167	-0.23	-0.34	168	D	1		97
98	00937	16	07145	0.83	2.31	0.23	0.58	4.02	1.82	0.56	184	-0.31	-0.62	192	C	1		98